Gnuplot 3.7.1

K úloze: Stanovení Michaelisovy konstanty trypsinu Martin Hassman

14. prosince 2002

1 Úvod

Program gnuplot je volně šiřitelný, můžete si jej zdarma kopírovat a používat. Je vhodný pro rozmanité nelineární regrese a tvorbu dvou- a třídimensionálních grafů. Následuje návod k spočtení *Michaelisovy konstanty* pomocí tohoto programu.

2 Zadání dat

Vstupní data je nutno zapsat do textového souboru. K tomu lze použít libovolný textový editor. My použijeme notepad, který je dostupný na všech instalacích windows.

Buď nalezneme položku notepad v systémovém menu nebo program notepad spustíme kliknutím na tlačítko Start, zadáme Run... (Spustit), do zobrazeného dialogu napíšeme příkaz notepad a potvrdíme OK.

Do souboru zapisujeme hodnoty stylem *co řádek, to jedno měření*. Napřed spočtenou koncentraci substrátu a za ní změřenou absorbanci, kterou oddělíme mezerou. Soubor může vypadat třeba takto:

0.005 0.301 0.005 0.309 0.01 0.450 0.01 0.481 0.02 0.654 0.02 0.658 0.03 0.711 0.03 0.723 0.04 0.789 0.04 0.785

Je nutno upozornit, že se jedná o ukázková data, a není vhodné se zde uvedenými hodnotami příliš inspirovat ve vašem protokolu. Soubor uložíme do adresáře E:\data\lab (notepad k názvu souboru automaticky přidá příponu .txt).

3 Spuštění programu

Program gnuplot spustíme standardní cestou. Buď nalezneme položku gnuplot v systémovém menu nebo opět zkusíme Start→Run...→gnuplot→OK. Objeví se okno, ve kterém se nám program slušně představí, a zobrazí řádku uvozenou gnuplot>, do které můžeme zadávat příkazy, kterými se program ovládá. Napřed je nutné se přepnout do adresáře, do kterého jsme uložili náš soubor s daty. To uděláme pomocí příkazu:

cd "E:\data\lab"

To, že jsme se přepnuli správně se můžeme přesvědčit pomocí příkazu: pwd (Print Working Directory), který vypíše aktuální adresář.

Pozn.: Program rozlišuje malá a velká písmena, dejte tedy pozor na to, že pwd je něco jiného než PWD – říkáme, že program je *case sensitive*.

Nyní si zobrazíme data z připraveného souboru:

```
plot "nazev.txt"
```

kde místo nazev.txt napíšete název vašeho souboru s daty. Objeví se okno s grafem, ve kterém jsou zobrazeny změřené body.

4 Proložení změřených dat

Nyní změřená data proložíme křivkou. Definujeme si funkci f(x), která je zápisem rovnice *Michaelis-Mentenové*:

f(x) = Vlim + x / (Km + x)

O proběhnutém definování funkce se můžeme přesvědčit příkazem show functions. Zadejte příkaz show variables a objeví se seznam definovaných proměných. V něm jsou vidět dvě proměnné Vlim a Km, které jsou zatím nedefinované. Proto jim přiřadíme počáteční hodnoty pro následující nelineární regresi. Počáteční hodnoty odečteme "okometricky" ze zobrazeného grafu a přiřadíme je proměnným (nezapomeňte, že záleží na velikosti písmen):

Vlim = 0.8 Km = 0.01

Zobrazíme si nyní graf znovu a přidáme do něj naši definovanou funkci:

```
plot "nazev.txt", f(x)
```

(Pokud nechceme psát příkazy stále znovu, lze použít klávesy $\uparrow a \downarrow \downarrow$ pro listování historií příkazů.) Nyní kromě změřených bodů vidíme i křivku snažící se dané body proložit. Dle kvality vašich nástřelů to je více nebo méně přesné. Pokud chcete, můžete nástřely upravit (přiřazením nové hodnoty a opětným zavoláním příkazu plot "nazev.txt", f(x) uvidíte nový výsledek). Vlastní regresi spustíme příkazem:

```
fit f(x) "nazev.txt" via Vlim, Km
```

Objeví se dlouhý výpis, na jehož konci pod nápisem 'Final set of parameters' jsou ve třech sloupcích výsledné hodnoty, za nimi jejich chyby a ve třetím sloupci jsou chyby vyjádřené v procentech. Program zároveň vytvořil soubor fit.log, do kterého zapsal poznámky k právě proběhlé regresi. Zavoláním replot si zobrazíme proložený graf a zkontrolujeme, zda regrese proběhla správně.

5 Úprava grafického výstupu

Pokud chceme graf použít do protokolu, je vhodné jej trochu upravit. Necháme si zobrazit graf od nuly:

```
plot [0:][0:] "nazev.txt", f(x)
```

Pokud bychom chtěli určit i horní souřadnici osy, tak to pro osu x uděláme např. takto: plot [0:0.05][0:] "nazev.txt", f(x)

Vyrobíme popisky k osám:

set xlabel "[S] (mol/l)"
set ylabel "absorbance"

Pokud nechceme mít u grafu legendu, zadáme **set nokey**. Pro zobrazení našich úprav použijeme opět příkaz **replot**. Graf můžeme vytisknout příkazem **screendump**. Chceme-li výsledný graf vložit do nějakého programu, pravým klikem na graf zvolíme **Copy to Clipboard** a pak můžeme klávesovou kombinací **CTRL+V** vložit obrázek do většiny programů.

Můžeme také uložit výsledný obrázek do souboru, to je ale o něco komplikovanější. Rozhodneme se pro některý výstupní formát (např. gif, png, postscript) – jejich seznam lze získat příkazem help terminal. Např. si vybereme gif: set terminal gif. Zadáme název souboru set output "nazev.gif". Nyní příkazem replot způsobíme, že se graf zapíše do souboru nazev.gif. K zobrazování výstupu do okna se lze vrátit příkazy set terminal windows a set output.

6 Ukončení programu

Program ukončíme příkazem exit. Na závěr po sobě uklidte – smažte soubory, které jste vytvořili, i soubor fit.log, který byl automaticky vytvořen programem.

7 Kde získat program gnuplot

Program gnuplot můžete stáhnout např. z této adresy:

http://biomikro.vscht.cz/maldiman/hassmanm/gnuplot

Na zmíněné adrese jsem pro případné zájemce připravil tento návod v elektronické podobě. Naleznete zde program gnuplot, pár poznámek k jeho instalaci a několik návodů v angličtině, ale i v češtině. Můžete také použít originální adresu DOPLNIT ADRESU, odkud lze stáhnout gnuplot i pro jiné platformy než windows (linux, OS/2, Solaris, Amiga a mnoho dalších).

Program se vám může hodit i v jiných předmětech než v těchto laboratořích. Pokud vás zajímají možnosti programu, spusťte si z podadresáře demo soubor all.dem.